SEBASTIÁN MUNILLA

AFILIACIÓN

- Cátedra de Mejoramiento Genético Animal, Facultad de Agronomía, Universidad de Buenos Aires (FAUBA).
- Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET)

CARGOS

- Profesor Asociado con dedicación exclusiva a cargo de la Cátedra de Mejoramiento Genético Animal, FAUBA.
- Investigador Adjunto del CONICET en el Instituto de Investigaciones en Producción Animal (INPA, UBA-CONICET).
- Director de la carrera de Maestría en Biometría y Mejoramiento de la Escuela para Graduados "Alberto Soriano", FAUBA.

FORMACIÓN

- Ingeniero Agrónomo (2004). Facultad de Agronomía (UBA)
- Doctor en Ciencias Agropecuarias (2011). Universidad de Buenos Aires (Argentina)
- Posdoctorado (2013-2015). Investigador Colaborador Jr. en el Departamento de Anatomía, Embriología y Genética Animal de la Universidad de Zaragoza, España.

INVESTIGACIÓN

Áreas de interés

- Métodos estadísticos aplicados al desarrollo y validación de programas de evaluación genética.
- Aprovechamiento de la información genómica en programas de evaluación genética.

Publicaciones (últimos 5 años)

- 2024. Pardo, A.M., Legarra, A., Vitezica, Z.G., Forneris, N.S., Maizon, D.O. & **Munilla, S**. On the ability of the LR method to detect bias when there is pedigree misspecification and lack of connectedness. Genet. Sel. Evol. 56: 74.
- 2024. Cruz, D.J, Arauco-Villar, F., Solano, J.C., Mayorga-Sanchez, N. & **Munilla, S**. Genetic parameters for gastrointestinal parasitosis resistance traits in Junín sheep. Ciênc. Agrotec. 48: e011324.
- 2023. Bonamy, M., Fernández, M.E., Giovambattista, G. & **Munilla, S**. Conditioning on the causal network prevents indirect response to selection. J. Anim. Breed. Genet. 141: 42-51.
- 2023. Jurcic, E.J., Villalba, P.V., Dutour, J., Centurión, **Munilla, S.** & Cappa, E.P. Breeding value predictive accuracy for scarcely recorded traits in a *Eucalyptus grandis* breeding population using genomic selection and data on predictor traits. *Tree Genetics & Genomes*, 19:35.
- 2022. Cantet, R.J.C., Angarita-Barajas, B.K., Forneris, N.S. & **Munilla, S**. Causal inference for the covariance between breeding values under identity disequilibrium. *Genet. Sel. Evol.* 54: 64.

- 2022. Álvarez Cecco, P., Rogberg Muñoz, A., Balbi, M., Bonamy, M. **Munilla, S**., Forneris, N.S., Peral García, P., Cantet, R.J.C., Giovambattista, G. & Fernández, M.E. Genome-wide scan for signatures of selection in the Brangus cattle genome. *J. Anim. Breed. Genet.* 139: 679–694.
- 2021. Schrauf, M.F., de los Campos, G. & **Munilla, S**. Comparing Genomic Prediction Models by Means of Cross Validation. *Front*. *Plant Sci*. 12:734512.
- 2021. Jurcic, E., Villalba, P., Pathauer, P., Palazzini, D., Oberschelp, G., Harrand, L., García, M., Aguirre, N., Acuña, C. Martínez, M., Rivas, J. Cisneros, E., López, J., Marcucci Poltri, S., **Munilla, S**. & Cappa, E. Single-step genomic prediction of Eucalyptus dunnii using different identity-by-descent and identity-by-state relationship matrices. *Heredity* 127: 176-189.
- 2021. Puhl, L.E., Crossa, J., **Munilla, S**., Pérez-Rodríguez, P. & Cantet, R.J.C. Additive genetic variance and covariance between relatives in wheat crosses with variable parental ploidy levels. *Genetics* 217(2), iyaa048.
- 2020. Schrauf, M.F., Martini, J.W.R., Simianer, H., de los Campos, G., Cantet, R.J.C., Freudenthal, J., Korte, A. & **Munilla, S**. Phantom Epistasis in Genomic Selection: On the Predictive Ability of Epistatic Models. *G3* 10: 3137-3145.
- 2020. Ynsaurralde-Rivolta AE, Suvá M, Luchetti CG, Bevacqua RJ, **Munilla S**, Rodriguez-Alvarez L, Velasquez A, Briski O, Lombardo D, & Salamone D, DMSO supplementation during in vitro maturation of bovine oocytes improves blastocyst rate and quality. *Theriogenology* 148: 140-148.

FORMACIÓN DE RECURSOS HUMANOS

Dirección de tesis de posgrado (finalizadas)

- 2024. Martín Bonamy. Maestría en Biometría y Mejoramiento (EPG-FAUBA). Director.
- 2024. Esteban Jurcic. Doctorado (EPG-FAUBA). Co-Director.
- 2021. Viviana Parreño. Maestría en Biometría y Mejoramiento (EPG-FAUBA). Director.
- 2021. José María Tessi. Maestría en Producción Animal (EPG-FAUBA). Director.
- 2020. Alfonso Gutiérrez Flores. Maestría en Producción Animal (EPG-FAUBA). Co-Director.
- 2017. Carolina García Baccino. Maestría en Biometría y Mejoramiento (EPG-FAUBA). Consejero de Estudios.
- 2017. Ana María Sancho. Maestría en Biometría y Mejoramiento (EPG-FAUBA). Co-Director.
- 2016. Juan David Corrales Álvarez. Doctorado en Ciencias Agropecuarias (EPG-FAUBA). Consejero de Estudios.

Dirección de tesis de posgrado (en curso)

- Alan Max Pardo. Doctorado en Ciencias Agropecuarias (EPG-FAUBA). Director.
- Victoria Topayán. Doctorado en Ciencias Agropecuarias (EPG-FAUBA). Director.
- Valeria Beatriz Fassa. Maestría en Biometría y Mejoramiento (EPG-FAUBA). Director.
- Matías Krause. Maestría en Biometría y Mejoramiento. Director.
- Santiago Watson. Maestría en Producción Animal. Director.

- Matías Florián Schrauf. Doctorado en Ciencias Agropecuarias (EPG-FAUBA). Director.
- Belcy Angarita Barajas. Doctorado (EPG-FAUBA). Consejero de Estudios.

Dirección de tesis de grado (finalizadas)
- 2015. Paula Ferrando. Licenciatura en Economía y Administración Agrarias. Director.
- 2016. Matías Florián Schrauf. Agronomía. Director.
- 2016. Luisa Bunge. Agronomía. Director.
- 2017. José María Pereda. Agronomía. Director.
- 2018. Santiago Terza. Agronomía. Director.
- 2018. Mateo Agustín Belfiori Herrero. Agronomía. Director.
- 2019. Magdalena Sack. Agronomía. Director.
- 2019. Martín Buitrago. Agronomía. Director.
- 2021. Agustín Yanzi. Agronomía. Director.
- 2022. Juan Martin de Loyola. Agronomía. Director.

Dirección de tesis de grado (en curso)
- Iván Montaña. Agronomía. Director.
- Stewart Kambo. Agronomía. Director.

EXTENSION (*en curso*)
- Participación en los convenios institucionales suscriptos entre la FAUBA y las siguientes instituciones: Asociación Argentina de Brangus, Asociación Braford Argentina, Asociación Criadores de Brahman de Argentina y Productores de Limangus de Argentina para el desarrollo y ejecución de sus programas de evaluación genética.